

Identifying the dominant *S. aureus* strains causing invasive infections in the European region

A joint EARSS/seqnet initiative

Formål

- ❑ Identificere de dominerende invasive *S. aureus* kloner i Europa
- ❑ Etablere en national / international data kollektion på disse stammer
- ❑ Øge forståelsen af epidemiologien af disse stammer

Laboratorier / Stammer

- ❑ Deltagende laboratorier indsender de første 5 konsekutive invasive hhv MSSA og MRSA isolater til spa typning
 - éet isolat per patient
 - Kliniske/demografiske oplysninger
- ❑ Periode 1. september 2006 – 1. marts 2007
- ❑ Max 200 isolater per land

Demografiske/kliniske data

- Dato for isolering
- Prøvetype
 - BD for MSSA
 - BD, punkturvæske, spinalvæske for MRSA
- Alder
- Køn
- Patient lokalisering
 - ITA, non-ITA, AMA/skadestue, non-hospital
- Epidemiologi
 - HA (symptom start efter 2 overnatninger på hospital), CO (start før 2 døgn)
- Overlevelse – 14 dage efter prøvetagning af 1. isolat
 - Levende, død
- Dato for indsendelse af isolat til SSI / HH

Forslag til praktisk gennemførelse

- ❑ Laboratorier afgør om de vil deltagе
 - Laboratorie ansvarlig meddeles SSI
- ❑ Spa typning udføres på
 - Hvidovre – MRSA fra region hovedstaden
 - SSI- MRSA fra resten af landet samt MSSA fra hele landet (bloddyrkningssolater)
- ❑ Stammerne identificeres af hhv Hvidovre og SSI
 - Allerede kendte kliniske oplysninger indsættes i database
 - Manglende oplysninger rekvireres